

"Biobanku pielietojamības aspekti: Nākamās paaudzes sekvencēšanas datu analīze"

31. marts - Pamatprasmes Linux OS komandrindu pārvaldē- Nākamās paaudzes sekvencēšanas datu analīze;

08:45 - 09:00	Reģistrācija un rīta Kafija
09:00 - 10:20	Nodarbība: Pamatprasmes komandrindu pārvaldē, rīku meklēšana un instalēšana;
10:20 - 10:40	Kafijas pauze
10:40 - 12:00	Nodarbība: Pamatprasmes komandrindu pārvaldē, sekvenču DeNovo sakārtošana;
12:00 - 13:00	Pusdienas
13:00 - 14:20	Nodarbība: Mērķētas sekvencēšanas nolasījumu kartēšana un variāciju identificēšana;
14:20 - 14:40	Kafijas pauze
14:40 - 17:00	Nodarbība: Variāciju identificēšana un anotēšana;

1. aprīlis - Eksomu un Genomu sekvencēšanas datu analīzē, izmantojot Galaxy

08:45 - 09:00	Reģistrācija un rīta Kafija
09:00 - 10:20	Lekcija: Iepazīšanās ar Galaxy Projektu un Galaxy lietotāja interfeisu;
10:20 - 10:40	Kafijas pauze
10:40 - 12:00	Nodarbība: FastQ failu apstrāde un kvalitātes kontrole;
12:00 - 13:00	Pusdienas
13:00 - 16:00	Nodarbība: NGS datu kartēšana un variāciju identificēšana;
14:20 - 14:40	Kafijas pauze
14:40 - 16:00	Nodarbība: Darba plūsmas un darbs ar lielapjoma datiem;

2. aprīlis - RNS sekvencēšanas datu analīze, izmantojot Chipster;

08:45 - 09:00	Reģistrācija un rīta Kafija
09:00 - 10:20	Nodarbība: Iepazīšanās ar Chipster lietotāja interfeisu un datu kvalitātes kontrole (FastQC un PRINSEQ)
10:20 - 10:40	Kafijas pauze
10:40 - 12:00	Nodarbība: Salīdzinošā sakārtošana (TopHat) un datu vizualizācija;
12:00 - 13:00	Pusdienas
13:00 - 16:00	Nodarbība: Datu kvantifikācija (HTSeq)
14:20 - 14:40	Kafijas pauze
14:40 - 16:30	Nodarbība: Ekspresijas atšķirību analīze (edgeR un DESeq2).